

Table 1 Summary evaluation of 29 SSR markers on major allele frequency, number of alleles identified, gene diversity, heterozygosity and polymorphism information content

Marker	Major Allele frequency	Number of Allele	Gene Diversity	Heterozygosity	PIC†
Gbsb67	0.58	5	0.56	0.16	0.48
Gbsb123	0.72	2	0.40	0.12	0.32
MSbCIR223	0.69	4	0.44	0.24	0.36
MSbCIR238	0.36	6	0.70	0.21	0.64
MSbCIR240	0.47	6	0.61	0.26	0.53
MSbCIR246	0.82	3	0.29	0.07	0.26
MSbCIR248	0.78	6	0.36	0.31	0.33
MSbCIR262	0.97	2	0.07	0.02	0.06
MSbCIR276	0.48	3	0.63	0.30	0.56
MSbCIR283	0.30	8	0.76	0.15	0.72
MSbCIR300	0.51	6	0.69	0.09	0.66
MSbCIR306	0.57	5	0.61	0.08	0.57
MSbCIR329	0.42	5	0.71	0.12	0.67
Xcup14	0.56	4	0.59	0.13	0.52
Xcup53	0.45	6	0.66	0.23	0.60
Xcup61	0.75	2	0.38	0.09	0.31
Xcup63	0.72	4	0.43	0.40	0.38
Xtxp010	0.38	4	0.69	0.35	0.63
Xtxp12	0.44	7	0.74	0.28	0.71
Xtxp15	0.46	4	0.67	0.09	0.61
Xtxp21	0.59	4	0.58	0.40	0.53
Xtxp40	0.56	4	0.52	0.08	0.41
Xtxp57	0.51	5	0.65	0.46	0.60
Xtxp136	0.49	3	0.62	0.74	0.54
Xtxp141	0.40	8	0.71	0.24	0.66
Xtxp145	0.51	7	0.67	0.11	0.64
Xtxp265	0.36	7	0.77	0.21	0.74
Xtxp278	0.61	4	0.54	0.23	0.48
Xtxp321	0.38	6	0.70	0.27	0.64
Mean	0.55	4.8	0.57	0.22	0.52

Note: †PIC, Polymorphic Information Content